



SEQUENCE LISTING

<110> MATSUTANI, Etsuya
NAITO, Kenichiro

<120> Agents For Retarding Change of Hormone-dependent Cancer into Hormone-independent Cancer

<130> 2556USOP

<140> 09/806,125

<141> 2001-03-28

<150> PCT/JP99/05533

<151> 1999-10-07

<150> JP 10-286793

<151> 1998-10-08

<160> 13

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 10

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> synthetic LH-RH peptide derivative

<220>

<221> MOD_RES

<222> (6)..(6)

<223> D-Leu

<220>

<221> MOD_RES

<222> (9)..(9)

<223> Pro or Pro-NH-C2H5

<220>

<221> MOD_RES

<222> (10)..(10)

<223> Gly-NH2 or nothing

<400> 1

Pro His Trp Ser Tyr Xaa Leu Arg Xaa Xaa
1 5 10

<210> 2

<211> 10

<212> PRT

<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic LH-RH peptide derivative

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> DLeu, DALa, DTrp, DSer(tBut), D2Nal, DHis(ImBzl)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> Pro or Pro-NH-C2H5

<220>
<221> MOD_RES
<222> (10)..(10)
<223> Gly-NH2 or nothing

ml
D/L
1
01
1

<400> 2

Pro His Trp Ser Tyr Xaa Leu Arg Xaa Xaa
1 5 10

<210> 3
<211> 11
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic LH-RH peptide derivative

<220>
<221> MOD_RES
<222> (1)..(1)
<223> N(4H2-furoyl)Gly, NAc

<220>
<221> MOD_RES
<222> (2)..(2)
<223> D2Nal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (3)..(3)
<223> D4ClPhe

<220>
<221> MOD_RES
<222> (4)..(4)
<223> D3Pal

<220>
<221> MOD_RES
<222> (6)..(6)
<223> NMeTyr, Tyr, Aph(Atz), NMeAph(Atz)

<220>
<221> MOD_RES
<222> (7)..(7)
<223> DLys(Nisp), DCit, DLys(AzaglyNic), DLys(AzaglyFur), DhArg(Atz), D
hC

<220>
<221> MOD_RES
<222> (9)..(9)
<223> Lys(Nisp), Arg, hArg(Et2)

<400> 3

Xaa Xaa Xaa Xaa Ser Xaa Xaa Leu Xaa Pro Xaa
1 5 10

<210> 4
<211> 6
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic kinase consensus target peptide

<400> 4

His Arg Asp Leu Ala Ala
1 5

<210> 5
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic kinase consensus target peptide

<400> 5

Ser Asp Val Trp Ser
1 5

<210> 6
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(4)
<223> C or A

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(3)
<223> C or T

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(10)
<223> C or T

<400> 6
canngggann ggcbgc

16

<210> 7
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (2)..(2)
<223> a or g

<220>
<221> misc_feature
<222> (8)..(8)
<223> c or a

<220>
<221> misc_feature
<222> (11)..(11)
<223> g or a

<220>
<221> misc_feature
<222> (14)..(14)
<223> a or g

<400> 7
anctccanac ntonct

16

<210> 8
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(3)
<223> c or t

ADH
<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(4)
<223> c or a

CH
<220>
<221> misc_feature
<222> (6)..(6)
<223> g or a

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> c or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (12)..(12)
<223> g or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (15)..(15)
<223> a or t

<400> 8
canngngach tngcngc

17

<210> 9
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (2)..(2)
<223> a or g

<220>
<221> misc_feature
<222> (8)..(8)
<223> a or c

<220>
<221> misc_feature
<222> (14)..(14)
<223> a or c

<400> 9
anctccanac gtcnga

<210> 10
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(3)
<223> c or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(4)
<223> c or a

<220>
<221> misc_feature
<222> (6)..(6)
<223> g or a

<220>
<221> misc_feature
<222> (10)..(10)
<223> c or t

16

<220>
<221> misc_feature
<222> (15)..(15)
<223> a or g

<400> 10
cannngnacn tggcngc

17

<210> 11
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (2)..(2)
<223> a or g

<220>
<221> misc_feature
<222> (8)..(8)
<223> g or c

<220>
<221> misc_feature
<222> (11)..(11)
<223> a or g

<220>
<221> misc_feature
<222> (14)..(14)
<223> a or g

<400> 11
angaccanac ntcnct

16

<210> 12
<211> 32
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 12
atctggcacc acaccttcta caatgagctg cg

32

<210> 13
<211> 32
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 13
cgtcatactc ctgcttgctg atccacatct gc

32